

Szczecin , dnia 25.05.2020 r.

Sygnatura sprawy 7-2/II2.0/2020

Dotyczy zapytania o cenę nr 7-2/II2.0/2020 na wykonanie usługi sekwencjonowania 35 -38 genomów bakteriofagów o zmiennej długości sekwencji nukleotydowej (w zakresie ~50-100kb).

Pytanie 1

Odczyty 2x150bp są możliwe nie tylko na MiSeq, ale również na innych platformach (np. HiSeq X-Ten). Czy zamawiający dopuszcza użycie innej platformy Illuminy niż MiSeq?

Odpowiedź:

Dopuszczalne jest użycie innej platformy Illumina o ile odczyt nie straci na jakości.